

# Epidemiologisk typning av bakterier med helgenomsekvensering och SNP-analys

## Indikation

För epidemiologisk typning av bakteriestammar vid t.ex. smittspårning.

## Provmaterial

Bakteriestam på e-swab.

## Analysprincip

Helgenomsekvensering med massiv parallellsekvensering (NGS) på IonTorrent plattformen. Analys av helgenomsekvenser via analysprogram Qiagen CLC workbench.

## Provtransport

V.g. kontakta laboratoriet innan prov skickas. Kontakt: [lab@ccug.se](mailto:lab@ccug.se), 031-3424702. Prov skickas på e-swab till CCUG.

CCUG

Klinisk mikrobiologi,

Box 7193

402 34 Göteborg

## Remiss

Använd remiss för SNP-analys: För MRSA används remiss [SNP-analys MRSA](#), då bärarskap går under smittskyddslagen. För övriga bakteriella patogener används remissen

[Epidemiologisk typning med NGS](#). På remiss anges kliniska och epidemiologiska data. Ange att helgenomsekvensering önskas.

## Bedömning/svarsrutiner

Vid SNP-analys (Single Nucleotide Polymorphism) görs bedömning om gemensam smittkälla kan uteslutas eller bekräftas. Besvaras via mail (utan personuppgifter) alternativt brev (med personuppgifter). Svarstid: Svar skickas ut till kund inom fyra veckor.